|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Table 1.  *Proportion de p-valeurs supérieures à .05 (β) en fonction de la taille des échantillons (nj) et de la différence entre les moyennes de chaque population (µ1 −µ2).* | | | | | |
|  | Différence de moyennes dans la population (*µ1 −µ2*) | | | | |
| ***nj*** | .1 | .2 | .3 | .4 | .5 |
| **100** | 0.897 | 0.708 | 0.433 | 0.197 | 0.060 |
| **200** | 0.828 | 0.473 | 0.148 | 0.023 | 0.001 |
| **300** | 0.767 | 0.318 | 0.040 | 0.002 | 0.000 |
| **400** | 0.708 | 0.200 | 0.012 | 0.000 | 0.000 |
| **500** | 0.645 | 0.120 | 0.003 | 0.000 | 0.000 |
| **600** | 0.580 | 0.066 | 0.001 | 0.000 | 0.000 |
| **700** | 0.540 | 0.041 | 0.000 | 0.000 | 0.000 |
| *Note.* Pour chaque scénario, les deux échantillons sont toujours de même taille (*nj = n1 = n2*) et sont extraits de populations se distribuant normalement et ayant la même variance *(σ1 = σ2 = σ*). La moyenne de la première population (*µ1*) vaut systématiquement 0, et celle de la deuxième population (*µ2*) varie de sorte à obtenir la différence de moyenne *µ1 −µ2* désirée. Par ailleurs, *σ* vaut systématiquement 1, si bien que la différence de moyenne brute est égale au *δ* de Cohen. | | | | | |