|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Table 1.  *Proportion de p-valeurs supérieures à .05 en fonction de la taille des échantillons (nj) et de la différence entre les moyennes de chaque population (µ1 −µ2).* | | | | | | | |
|  | Différence de moyennes dans la population (*µ1 −µ2*) | | | | | | |
| ***nj*** | 0 | .1 | .2 | .3 | .4 | .5 |
| **100** | 0.949 | 0.891 | 0.709 | 0.441 | 0.196 | 0.060 |
| **200** | 0.949 | 0.832 | 0.483 | 0.151 | 0.021 | 0.001 |
| **300** | 0.950 | 0.768 | 0.312 | 0.043 | 0.001 | < .001 |
| **400** | 0.949 | 0.708 | 0.194 | 0.011 | < .001 | < .001 |
| **500** | 0.949 | 0.646 | 0.116 | 0.003 | < .001 | < .001 |
| **600** | 0.950 | 0.591 | 0.066 | 0.001 | < .001 | < .001 |
| **700** | 0.948 | 0.536 | 0.037 | < .001 | < .001 | < .001 |
| *Note.* Pour chaque scénario, les deux échantillons sont toujours de même taille (*n1 = n2 = n*) et sont extraits de populations se distribuant normalement et ayant la même variance *(σ1 = σ2 = σ*). La moyenne de la première population (*µ1*) vaut systématiquement 0, et celle de la deuxième population (*µ2*) varie de sorte à obtenir la différence de moyenne *µ1 −µ2* désirée. Par ailleurs, *σ* vaut systématiquement 1, si bien que la différence de moyenne brute est égale au *δ* de Cohen. | | | | | | | |